

tRNAs：[tRNAscan-SE Search Server (ucsc.edu)](http://lowelab.ucsc.edu/tRNAscan-SE/)

用法：[tRNAscan-SE使用说明\_高锦的博客-CSDN博客](https://blog.csdn.net/herokoking/article/details/77853662)

rRNA: blastn

database：以Target=AJ307354为例，NCBI- AJ307354-sequence download，全部下载完成后生成database

blastn：evalua 10-15、outform 6

提取结果，统计个数

[Infernal: inference of RNA alignments (eddylab.org)](http://eddylab.org/infernal/)

用法：[使用 rfam 进行 ncRNA 注释 | 陈连福的生信博客 (chenlianfu.com)](http://www.chenlianfu.com/?p=2185)